

$$\frac{100m}{m_s},$$

где: m – экспериментально установленное количество аминокислоты (нмоль/аминокислотный остаток);

m_s – число аминокислотных остатков, соответствующих рассматриваемой аминокислоте, в составе белка;

M_r – молекулярная масса неизвестного белка (г/моль).

Среднее значение относительной ошибки определения аминокислотного состава является средним значением абсолютных величин относительных ошибок определения каждой аминокислоты, исключая данные по триптофану и цистеину. Средняя величина относительной ошибки определения аминокислотного состава может дать важную информацию об устойчивости анализа во времени. Соответствие найденного аминокислотного состава образца белка и известного состава может служить подтверждением подлинности и чистоты белка в испытуемом образце.